

**<学会記録>4. ヒト歯髄における骨芽細胞転写因子
cbfa1/Pebp2 A遺伝子発現のLightCyclerによる定
量的評価(東日本歯学会第18回学術大会一般講演抄
録)**

著者名(日)	西村 学子, 安彦 善裕, 三田村 治朗, 村田 勝, 柴田 敏之, 有末 眞, 賀来 亨
雑誌名	東日本歯学雑誌
巻	19
号	1
ページ	119
発行年	2000-06-30
URL	http://id.nii.ac.jp/1145/00008499/

4. ヒト歯髄における骨芽細胞転写因子cbfa1/Pebp2 α A遺伝子発現の LightCyclerによる定量的評価

○西村 学子, 安彦 善裕, 三田村治朗,
村田 勝*, 柴田 敏之*, 有末 眞*,
賀来 亨

(北海道医療大学歯学部口腔病理学講座・口腔外科学第二講座*)

(**緒言**) cbfa1/Pebp2 α Aは、骨芽細胞に必須の転写因子として最近発見された遺伝子であり、筋芽細胞へのMyoD、脂肪細胞へのPPAR γ 2と並んで、未分化間葉系細胞の分化方向を決定づける重要な因子である。歯髄組織中には生理的な状態で多数の未分化間葉系細胞が存在しており、必要に応じて象牙芽細胞へと分化し、象牙質の形成を行う。本研究では、ヒト歯髄組織におけるcbfa1/Pebp2 α A mRNAの発現を、最近開発されたLightCyclerを用いることにより定量的に評価した。

(**材料および方法**) 材料には、歯周炎や智歯、便宜的な理由などで抜去された歯牙で、明らかなう蝕のないものを用いた。歯牙を切断し、歯髄組織を摘出してtotal RNAを抽出した。Oligo (dT) primerによる逆転写の後、ヒトcbfa1/Pebp2 α Aおよびosteocalcinに対するprimerを用いたRT-PCRを行った。また、同じprimerを用い、SYBR

Green I でLightCyclerによる定量的RT-PCR法を行った。

(**結果**) 今回用いた歯髄組織の大半で、発現の強弱はあるものの、cbfa1/Pebp2 α A primerによりシングルバンドが得られ、そのmRNAの発現していることが確認された。LightCyclerによる定量的RT-PCR法により発現の強弱を数値化すると、年齢分布と発現との間に相関関係が認められた。すなわち、若年者の方が老年者に比べ明らかに発現が増強していた。また、cbfa1/Pebp2 α Aの発現が強いものではosteocalcinの発現も増強していた。

(**考察および結論**) 以上の結果から、歯髄組織中の未分化間葉系細胞の象牙芽細胞への分化にもcbfa1/Pebp2 α Aが関与しており、その発現は年齢と共に減少していくことが示唆された。

5. Prevotella属からのバクテリオファージの誘発

○宮川 博史, 寺山 千恵, 鎌口 有秀,
馬場 久衛

(北海道医療大学歯学部口腔細菌学講座)

宿主である細菌染色体に組み込まれたファージ遺伝子は宿主の病原性や性状に関連することが知られている。また、このようなファージ遺伝子は紫外線や化学誘発物質処理することで誘発され増殖する。我々はこれまでに歯周病原性細菌の中でPrevotella (*P*) *intermedia*において、このようなファージが存在していることを明らかにしてきた。一般に口腔内にはその他にもPrevotella属の菌種が常在していることが知られているが、これらPrevotella属菌種と歯周疾患との関連性については明らかになっていない。今回我々は、Prevotella属におけるファージの存在と病原性との関連性について調べるために*P. intermedia*で誘発されるバクテリオファージが他のPrevotella属菌種からも誘発されるかどうか検討した。

Prevotella属7菌種を早期対数増殖期まで培養し、UV照射またはマイトマイシンC添加処理し、その後、培養液

の濁度を経時的に測定して溶菌の有無を調べた。誘発実験の結果、各菌種でUV照射やマイトマイシンC添加処理によって程度の違いはあるものの濁度の減少が見られた。

こうした濁度の減少がみられた試料をクロロフォルム処理後、低速遠心、濾過により菌体を除去し、さらに超遠心によりバクテリオファージを集め、滅菌水で懸濁後、リンタンングステン酸によりネガティブ染色して透過型電子顕微鏡にて観察した。その結果、*P. oris*と*P. loeschei*においてバクテリオファージが誘発されていることがわかった。また、ファージの大きさも誘発した菌種により違いが見られた。しかし、その他の5つの菌種ではバクテリオファージは観察できず、これらの菌種での濁度の減少は、autolysisによるものと考えられた。今後、これらPrevotella属におけるバクテリオファージ遺伝子を調